

Lista publikacji

- październik 2011

I. Prace oryginalne (rozdziały w książkach zbiorowych, artykuły w czasopismach):

1. **Tuszyńska I., Bujnicki J. M., 2011, *DARS-RNP and QUASI-RNP: New statistical potentials for protein-RNA docking BMC, Bioinformatics* 18 12(1): 348.**
2. **Tuszyńska I., Bujnicki J. M., 2010, *Predicting atomic details of the unfolding pathway for YibK, a knotted protein from the SPOUT superfamily, J Biomol Struct Dyn* 27(4): 511-520.**
3. **Kennaway C. K. J., Obarska-Kosinska A., White J. K., Tuszyńska I., Cooper L. P., Bujnicki J. M., Trinick J., Dryden D. T. F., 2009, *The structure of M.EcoKI Type I DNA methyltransferase with a DNA mimic antirestriction protein, Nucleic Acids Res* 37(3): 762-70.**
4. **Pietal M., Tuszyńska I., Bujnicki J. M., 2007, *PROTMAP2D: visualization, comparison, and analysis of 2D maps of protein structure, Bioinformatics* 23(11): 1429-1430.**
5. **Gabant G., Auxilien S., Tuszyńska I., Locard M., Gajda M. J., Chaussinand G., Fernandez B., Dedieu A., Grosjean H., Golinelli-Pimpaneau B., Bujnicki J. M., Armengaud J., 2006, *THUMP from archaeal tRNA:m²G10 methyltransferase, a genuine autonomously folding domain, Nucleic Acids Res* 10 34(9): 2483-94.**

w druku:

6. **Gajda M. J., Tuszyńska I., Kaczor M., Bakulina A. Y., Bujnicki J. M., 2010, *FILTREST3D: discrimination of structural models using restraints from experimental data, Bioinformatics.***

II. Prace przeglądowe (raporty, suplementy, recenzje naukowe, opracowania źródłowe):

w druku:

1. **Puton T., Kozłowski L., Tuszyńska I., Rother K., Bujnicki J. M., 2011, *Computational methods for prediction of protein-RNA interactions, J Struct Biol.***

III. Prace pokonferencyjne i doniesienia zjazdowe:

1. **Sołtysiński T., Kalinin S., Boniecki M., Sindbert S., Vardanyan H., Stasiewicz J., Tuszyńska I., Seidel C., Bujnicki J. M., *First computational determination of four-way RNA junction's structure*, konferencja MAF12, 11.-14.09.2011, Strasbourg, Francja; poster.**
2. **Rother K., Rother M., Boniecki M., Puton T., Tuszyńska I., z Bujnicki J., *New computational methods for RNA 3D structure prediction*, EMBO Young Scientists Forum, 30.06.-1.07.2011, Warszawa; poster.**

3. **Tuszyńska I.**, Rother K., Bujnicki J., ***A statistical potential for modeling of protein-RNA complexes***, konferencja ECCB, 26.-29.09.2010, Ghent, Belgia; poster.
4. Górka A., **Tuszyńska I.**, Bujnicki J., ***Simulations of force-induced RNA unfolding***, EURASNET Interdisciplinary Focus Meeting, 16.-18.08.2010, Poznań; poster.
5. **Tuszyńska I.**, Bujnicki J., ***Unfolding simulations of YibK a knotted protein from the SPOUT superfamily***, warsztaty doktoranckie i I Zjazd Polskiego Towarzystwa Bioinformatycznego 3.-5.10.2008, Jadwisin; wykład.
6. **Tuszyńska I.**, Kędzierski P., ***Molecular dynamic simulations of 15 segment of the spectrin*** – Workshop of Structure and Function, 05.2004, Będlewo; poster.